



SBIO-0002.asc

SEQUENCE LISTING

<110> Chenchik, Alex

<120> Methods for Gene Function Analysis

<130> SBIO/0002

<140> 10/658,632

<141> 2003-09-08

<160> 20

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> promoter

<222> (1)..(7)

<220>

<221> misc\_feature

<222> (8)..(43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 1

ggacgagnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn aattcatcta tgt

43

<210> 2

<211> 43

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc\_feature

<222> (7)..(43)

<223> n=a,t,g,c

<400> 2

cctgctccta gnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnngtagat aca

43

<210> 3

<211> 59

<212> DNA

<213> human

<220>

<221> misc\_feature

<222> (7)..(53)

<400> 3

gatccggatg atctggatcc accaattcaa gagattggtg gatccagatc atctttttg

59

SBIO-0002.asc

<210> 4  
 <211> 59  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (3)..(59)

<400> 4  
 gcctactaga cctaggtggt taagttctct aaccacctag gtctagtaga aaaacttaa 59

<210> 5  
 <211> 75  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (7)..(69)

<400> 5  
 gatccgggtg atctggatct accaaggctt gttttcaaga gaaacaagtc ttggtggatc 60  
 cagatcatct ttttg 75

<210> 6  
 <211> 69  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (3)..(59)

<400> 6  
 gccactaga cctagatggt tcgaaagttc tctttgttca gaaccactag gtctagtaga 60  
 aaaacttaa 69

<210> 7  
 <211> 30  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> unsure  
 <222> (8)..(21)  
 <223> n=a,t,g,c

<400> 7  
 tgggaaaann nnnnnnnnnn ntttttagag 30

<210> 8

<211> 30  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> unsure  
 <222> (13)..(25)  
 <223> n=a,t,g,c

<400> 8  
 accctttttt tcnnnnnnnn nnnnnatctc

30

<210> 9  
 <211> 31  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (6)..(31)  
 <223> Viral vector sequence

<400> 9  
 aaaggatgat ctggatccac caagacttgt t

31

<210> 10  
 <211> 31  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (2)..(27)  
 <223> Viral vector sequence

<400> 10  
 ctactagacc taggtgggtc tgaacaaaaa a

31

<210> 11  
 <211> 59  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (17)..(42)  
 <223> n=a,t,g,c

<400> 11  
 agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga

59

<210> 12  
 <211> 19  
 <212> DNA  
 <213> human

SBIO-0002.asc

<220>  
 <221> primer\_bind  
 <222> (11)..(19)  
 <223> viral vector sequence

<400> 12  
 acgcaggtgt agcagaaga 19

<210> 13  
 <211> 59  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (17)..(42)  
 <223> n=a,t,g,c

<400> 13  
 agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt cttctacga 59

<210> 14  
 <211> 20  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> primer\_bind  
 <222> (1)..(11)  
 <223> viral vector sequence

<400> 14  
 cagaagatgc tcacgacgct 20

<210> 15  
 <211> 78  
 <212> DNA  
 <213> human

<220>  
 <221> misc\_feature  
 <222> (27)..(52)  
 <223> n=a,t,g,c

<400> 15  
 acgcaggtgt agcagaagac taaaagnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnttttatgt 60  
 cttctacgag tgctgcga 78

<210> 16  
 <211> 78  
 <212> DNA  
 <213> human

SBIO-0002.asc

```

<220>
<221> misc_feature
<222> (27)..(52)
<223> n=a,t,g,c

<400> 16
tcggtccaca tcgtcttctg attttcnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnaaaataca      60
gaagatgctc acgacgct                                                    78

<210> 17
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (5)..(30)
<223> n=a,t,g,c

<400> 17
aaagnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn                                     30

<210> 18
<211> 30
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (1)..(26)
<223> n=a,t,g,c

<400> 18
nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnnnaaaa                                     30

<210> 19
<211> 44
<212> DNA
<213> human

<220>
<221> misc_feature
<222> (9)..(35)
<223> n=a,t,g,c

<400> 19
tgggaaaagn nnnnnnnnnn nnnnnnnnnn nnnnttttt agag                      44

<210> 20
<211> 44
<212> DNA
<213> human

```

SBIO-0002.asc

<220>

<221> misc\_feature

<222> (9)..(35)

<223> n=a,t,g,c

<400> 20

acccttttcn nnnnnnnnnnn nnnnnnnnnnn nnnnnaaaaa tctc

44